

EFEITO DA FRAGMENTAÇÃO FLORESTAL SOBRE A VARIABILIDADE GENÉTICA DE POPULAÇÕES DE ABELHAS (HYMENOPTERA: APIDAE) DO ESTADO DA BAHIA

OLIVEIRA, A. A.¹, CERVINI, M.², WALDSCHMIDT, A. M.³

Bolsista PRH-PB 11, anistela_oliveira@hotmail.com, ¹Departamento de Ciências Biológicas, Unidade, Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, ²Departamento de Ciências Biológicas, Unidade, Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, ³Departamento de Ciências Biológicas, Unidade, Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia

R E S U M O

MOTIVAÇÃO: No Brasil, a maioria das abelhas sociais pertence à tribo Meliponini, conhecidas como abelhas indígenas sem ferrão por possuírem o ferrão atrofiado. As abelhas são importantes para os seres vivos, pois realizam a polinização de muitas espécies vegetais de interesse econômico, além de produzirem mel e cera. É notório o importante papel ecológico das abelhas, porém muitas espécies estão tendo sua população reduzida drasticamente. Essa situação é potencializada pelas ações antrópicas, como o desmatamento e poluição ambiental, causando fragmentações de ecossistemas, diminuindo a disponibilidade de recursos e limitando o fluxo gênico interpopulacional. Entender como esses fatores agem na viabilidade das abelhas utilizando metodologias moleculares é fundamental para a manutenção dessas espécies.

OBJETIVO: Esta pesquisa tem como objetivo verificar como o processo de fragmentação ambiental afeta a diversidade de espécies e a variabilidade genética de populações de abelhas em diferentes fragmentos de mata do Estado da Bahia.

APLICAÇÃO NA INDÚSTRIA DO PETRÓLEO: Trabalhos na área da conservação da biodiversidade e de seu respectivo monitoramento apresentam aplicações indiretas na indústria do Petróleo. O investimento em estudos que visem à conservação das abelhas permite a utilização de uma fonte de renda alternativa para os que habitam em regiões próximas a grandes campos de extração de Petróleo, através da produção de mel de diferentes espécies, com diferentes valores agregado, tendo em vista a dificuldade na obtenção e produção desses produtos. Assim, o impacto social produzido em regiões petrolíferas pode ser minimizado.

RESULTADOS OBTIDOS: As abelhas coletadas (*Trigona spinipes*, *Euglossini* e *Geotrigona*) foram submetidas a extração do DNA genômico baseando-se no protocolo descrito por Waldschmidt *et al.* (1997) e com o kit de extração de DNA da Promega®. Os DNAs obtidos foram submetidos à técnica de PCR utilizando marcador molecular do tipo ISSR. Até o momento, foram testados seis iniciadores (UBC 811, UBC 824, UBC 831, UBC 834, UBC 835, UBC 844). Os protocolos mostraram-se eficazes para extração do DNA, obtendo quantidade e qualidade adequada para a realização das análises moleculares. Os iniciadores testados amplificaram para todas as amostras de DNA extraídas, indicando sua eficiência no decorrer do estudo. Após a obtenção de um número maior de amostras, serão iniciadas as análises genéticas, permitindo a correlação do possível efeito da fragmentação na alteração da variabilidade genética nas espécies estudadas. Vale ressaltar que os fragmentos onde serão realizadas as próximas coletas já foram visitados e demarcados.